

rab5B  
30233212 T CACAAAATTCAATAATTGTAAAAAAAAAAATAAAAAAAATAACCACAGCCAA  
TTCCAAATTGTAAATAAAAAAGAGATCTGGCTCTCAACAATTAAAAATAA  
rabF1 TTTTATTATATTGAAATTCAACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTC  
30233250 TCATCTTGTGTTTTAACAGTCGGTAGCTCCAAAGGTTTTTTTTTC  
rab7A ACAGCCGTTTATAATTATTCTTATTATAACTATTATAATT  
rab21 ATATAAAATAAAATTACCCCTAATTTCACATTGCACAAACTAA  
rabK1 TTTTGTGTTGTGATGAAAAAAACAGAAGTTGAAGCTTTCTACT  
rab2A TTTTTTTTATTATTCTTATTATAATTCTTAATTCTAAATT  
rab18 AATACAAAAATAAAATAGAAAAATATACACAATAAAATATAA  
rabS ATTCTAATTCTTCTTAAATTCTTAATTCTCAAA  
rabP TAAAATGATAAACATGACAGTGCATTACGATCAAATGAAAGATT  
rab14 TTTTATTTCACCAGTTAGTGAATTACTAACTTTTTTTTTT  
rabW TAATAAAATTGTCCTTGATTATTAAATTCTTAAACCTATATT  
rab32B TTTTTTTTATTAAATTCTTAAATTCTTAAACCTTAAAGAAAA  
rab2B TAAAATTAATTATTATTATTATTATTATTATTATT  
rabU AAAATTATTATTATTATTATTATTATTATTATTATT  
rab24 ATTCTTATTCTTATTCTTATTCTTATTCTTATTCTTATT  
rabG2 ATGGTCAAATGGATTAAAAAAACCAATTCTTATTCTTATT  
rab1B AAAAATTATTAAATTAAAAACCAATTCTTATTCTTATT  
rabN2 TTATTCTTATTCTTATTCTTATTCTTATTCTTATT  
rabC CAACAAAAGCGATAACAGGAATAATTCTTATAATTACATACT  
rab32D TTTTATTCTTATAAAATTCTTGTCACTATCACAACTAATA  
30229988 TAAAACAAATGATAAAATTGTATAAAGGTCGAATTAAAAAA  
rab5A TTAGATAATTATACTAATAACAAATTAAACAAACAAACAA  
30233190 AAAATTAACTCATATTCTTAACTTACCTTCACATATT  
30233251 AGATTAAATAATAATTATTCTTATCCACAAAAAA  
rabY GAAATACCTTCCAAATAATTGTTTATTCTTATTTTAA  
rab11A AAATATAGATTATAATTAAATTCTTCAACTATTACAACT  
rabX ATTATTATTAAATAAAATTAAATTCTTAAATTAAATT  
rabO TTTTTAAACCTGATTCTTAAATTCTTATGGGAAAAAGC  
rab11B TTCAAATAACTGCACTTAAAGTGCATAAAACATGATTGTAATT  
rabG1 GATCAATTCTTATTCTTATTCATTCTTAAATTGATTGTTGTAATT  
rab8B TATCCAACACTAAACAACTTAAATTCAAAACTCTAAATT  
rabJ ATAACACACACACACAAACGAATTCTTAAATTCTAT  
rabM CAAAAAAATAAAATTCTTGGTTGATTAAATT  
rabV TTAAAAATAAAACATTGTTGATTAAATT  
rab1D TCATCAATTCTTATTCTAACAAACAGTTAAATT  
rab8A ACTTAAACTCAAACTAAACATTAAACACCTCAAATT  
rabH ATTCTTAAATTCTTAAATTCTTAAATT  
30233191 AATAAAAAATAAAAAAAATAATTAAAGAAAAATAACA  
rab11C AAAAAAAATAAAAAAAACCAAAATAAAACATTAAACACAT  
rab6 ATAATAACAATAACAAAAAAATTATATTAT  
rab1A TGGGTTTTTATTCTTATTCTTATTCTTATTCTTATT  
rabZ TATTCTTATTCTTATTCTTATTCTTATTCTTATTCTTATT  
30230049 AAAAAAAATAAAAAAAATAAAATATAAGATACAAAAAA  
rabR ATATAAATAAAATAAAATAATTAAATTCTTAAATTAA  
rab4 TAAACAAACAAACAAACAAACGAATTAAACAAACAA  
rabQ TTAAAAAAATTAAATTCTTGGTAAAAAGGTGAAAGAAAAAGTGT  
rab32C TTAAACAAACAAACAAACAAACAAACACTCCACTATT  
rab1E TTTTTTTTATTACAATTCAATTGAACATTGTTATTCTTATT  
rabT2 TTTTATTCTTATTCTTATTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTT  
rab1C TATTCTTATTCTTATTCTTATTCTTCTTCTTCTTCTTCTT  
rab32A AAAAAAAAGAAAAATAAAATCAATTCTTCTTCTTCTTCTT  
rabA TTTTTTTTATTCTTATTCTTATTCTTATTCTTATTCTTATT  
rabL AAAAAAAAGAGATCTGGCTCTCAACAAATT  
rab7B TGTTTATATGTACTTATTCTTATTCTTATTCTTATTCTTATT  
rabT1 TGAATTCTTATTAGGTATATATTCTTATTCTTATTCTTATT